

<https://doi.org/10.15388/SMVK.2026>

Vilniaus universitetas
Medicinos fakultetas



STUDENTŲ MOKSLINĖS VEIKLOS TINKLO LXXVIII KONFERENCIJA



Vilnius, 2026 m. gegužės 8 d.

PRANEŠIMŲ TEZĖS

Leidinį sudarė VU MF
mokslo specialistė Urtė ŽAKARYTĖ



VILNIAUS
UNIVERSITETO
LEIDYKLA

2026

Mokslo komitetas:

dr. Mindaugas Kvietkauskas
doc. dr. Diana Bužinskienė
prof. dr. Lina Malinauskienė
prof. dr. (HP) Saulius Vosylius
prof. habil. dr. (HP) Gintautas Brimas
dr. Laura Lukavičiūtė-Navickienė
asist. dr. Agnė Abraitienė
gyd. rez. Domas Grigoravičius
doc. dr. Indrė Trečiokienė
prof. dr. Vaiva Hendrixson
dokt. Ignas Karnas
doc. dr. Ieva Stundienė
prof. dr. Eglė Preikšaitienė
lekt. gyd. Andrius Apšega
jaun. asist. dr. Andrius Žučenka
jaun. asist. Ieva Kubiliūtė
prof. dr. Pranas Šerpytis

lekt. Artūras Mackevičius
asist. dr. Žymantas Jagelavičius
doc. dr. Agnė Kirkliauskienė
dr. Audra Brazauskaitė
asist. dr. Diana Sukackienė
asist. dr. Žilvinas Chomanskis
prof. dr. Kristina Ryliškienė
asist. dr. Rokas Borusevičius
doc. dr. Saulius Galgauskas
doc. dr. Birutė Brasiūnienė
gyd. rez. Kristina Lialytė
gyd. rez. Viktorija Mickevičiūtė
asist. dr. Dalia Krivaitienė
doc. dr. Jaunius Kurtinaitis
prof. dr. Eugenijus Lesinskas
doc. dr. Goda Vaitkevičienė
prof. dr. Alvydas Navickas

prof. dr. (HP) Edvardas Danila
prof. dr. Nomeda Rima Valevičienė
asist. dr. Tomas Aukštikalnis
lekt. Mykolas Udrys
doc. dr. Danutė Povilėnaitė
prof. dr. Robertas Stasys Samalavičius
dr. Agnė Jakavonytė-Akstinienė
vyr. lekt. dr. Andrius Bleizgys
gyd. rez. Dominykas Budrys
doc. dr. Jurgita Stasiūnienė
dokt. gyd. rez. Ugnė Mickevičiūtė
prof. dr. Gilvydas Verkauskas
prof. dr. Sigita Lesinskienė
asist. dr. Jelena Stanislavovienė
prof. dr. (HP) Janina Tutkuvienė

Organizacinis komitetas:

Austėja Zubauskaitė
Giedrė Zdanavičiūtė
Arshia Tabassum Abdul Rahman
Ieva Jankūnaitė
Gabija Balčiūnaitė
Gabrielė Gudelytė
Marija Šarnauskaitė
Antanas Simonas Garuolis
Gabrielė Jurytė
Kornelija Klinkaitė
Nursat Gazizov
Sofija Šestak
Mindaugas Smetaninas
Deimantė Šerniūtė
Eva Kriaučiūnaitė
Edas Leščinskis
Agata Bruzgul
Erika Vaitkutė
Ugnė Mickutė

Gabija Mūraitė
Augustė Melaikaitė
Artemij Morozov
Raminta Kastecakaitė
Gustė Šuliauskaitė
Karolina Karneckaitė
Eglė Žulpaitė
Sylvia Rogoža
Gabrielė Jonauskaitė
Agnė Vasiulytė
Rūta Uksaitė
Roman Blinov
Marija Sarafinaitė
Eglė Valčiukaitė
Paulė Kergytė
Milda Černytė
Julija Grigaitytė
Dovydas Stankevičius
Greta Ramonaitė

Silvija Černiauskaitė
Danial Heidar
Edgaras Zaboras
Gediminas Gumbis
Joana Leščevskaja
Gabija Marčiulaitytė
Achila Kasandra Lunkė
Meda Petrylaitė
Ernestas Gulbickis
Radvilė Kadytė
Julija Šnipaitytė
Smiltė Vaišvilaitė
Evelina Dakševičiūtė
Alicija Šavareikaitė
Elinga Inčirauskaitė
Milda Eleonora Griciūtė
Robertas Basijokas
Elvin Francišek Bogdzevič

ISSN 2783-7831 (skaitmeninis PDF)

© Tezių autoriai, 2026

© Vilniaus universitetas, 2026

MAKŠTIES MIKROBIOMO SEKOSKAITOS TECHNOLOGIJOS IR BIOINFORMATINIO VERTINIMO PRINCIPAI

Autorė. Gabrielė GARDZIJAUSKAITĖ, VI kursas.

Vadovė. Guoda ŽUKIENĖ, VU MF Klinikinės medicinos institutas, Akušerijos ir ginekologijos klinika.

Tikslas. Išanalizuoti naujausią mokslinę literatūrą apie makšties mikrobiomo sekoskaitos metodus ir jų bioinformatinį vertinimą.

Metodai. Atlikta mokslinės literatūros paieška ir analizė “PubMed” ir “Science-Direct” duomenų bazėse, naudojant temai aktualius raktažodžius. Išanalizuotos 24 publikacijos, paskelbtos 2015-2025 m. anglų kalba ir turinčios pilno teksto prieigą.

Rezultatai. Makšties mikrobiota – makšties gleivinėje esančių mikroorganizmų visuma, funkciškai svarbi visais moters amžiaus tarpsniais. Makšties mikrobiomas yra platesnė sąvoka, apimanti ne tik šiuos mikroorganizmus, bet ir jų genetinę medžiagą. Įprastai makšties mikrobioteje dominuoja *Lactobacillus* genties bakterijos, kurios gamindamos pieno rūgštį palaiko rūgščių makšties terpę ir taip apsaugo nuo patogenų kolonizacijos. Laktobakterijų sumažėjimas ir mikrobiotos sudėties pokyčiai siejami su bakterinės vaginozės bei kitų makšties infekcijų išsivystymu, todėl svarbus tikslus mikrobiotos sudėties įvertinimas. 16S rRNR amplikono sekoskaita naudojama mikroorganizmų bendruomenių sandarai ir įvairovei nustatyti, sekvenuojant variabilius 16S rRNR geno regionus, dažniausiai V3-V4. Šiuo metodu identifikuojamos bakterijos ir archėjos dažniausiai iki genties, o kai kuriais atvejais – iki rūšies lygio. Metagenominė sekoskaita leidžia analizuoti visą makšties tepinėlyje esančią genetinę medžiagą ir identifikuoti bakterijas, virusus, grybus bei kitus mikroorganizmus iki padermės lygio ir nustatyti funkciškai svarbius genus. Metatranskriptominė sekoskaita, analizuojant mikroorganizmų RNR, suteikia papildomos informacijos apie genų ekspresiją ir mikrobiomo funkcinį aktyvumą. Sekoskaitos duomenys apdorojami ir analizuojami bioinformatiniais metodais, lyginant sekas su referentinėmis duomenų bazėmis. Mikrobiotos įvairovė vertinama alfa įvairovės rodikliais, apibūdinančiais mikroorganizmų gausumą ir įvairovę viename mėginyje, bei beta įvairovės rodikliais, leidžiančiais palyginti skirtingų mėginių sudėtį. Rezultatai dažniausiai vizualizuojami stulpelinėmis diagramomis ir šilumos žemėlapiams, atspindinčiais mikroorganizmų santykinį gausumą ir pasiskirstymo ypatumus tarp tiriamų grupių.

Išvados. Skirtingi makšties mikrobiomo sekoskaitos metodai pasižymi nevienoda taksonomine raiška, duomenų apimtimi ir funkcinės analizės galimybėmis. 16S rRNR sekoskaita dažniausiai taikoma mikrobiotos sudėties analizei dėl paprastumo ir mažesnių kaštų, o metagenominė ir metatranskriptominė sekoskaita leidžia išsamiau įvertinti mikrobiomo genetinį potencialą ir funkcinį aktyvumą.

Raktažodžiai. Makšties mikrobiota; mikrobiomas; naujos kartos sekoskaita; bioinformatinė analizė.